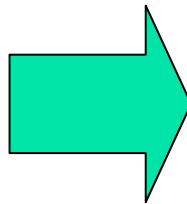
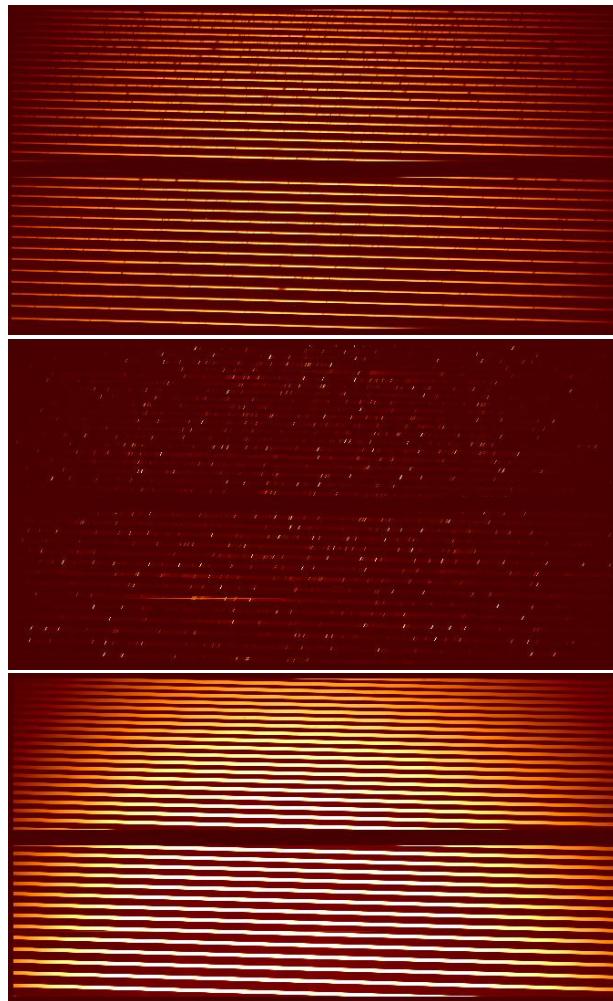
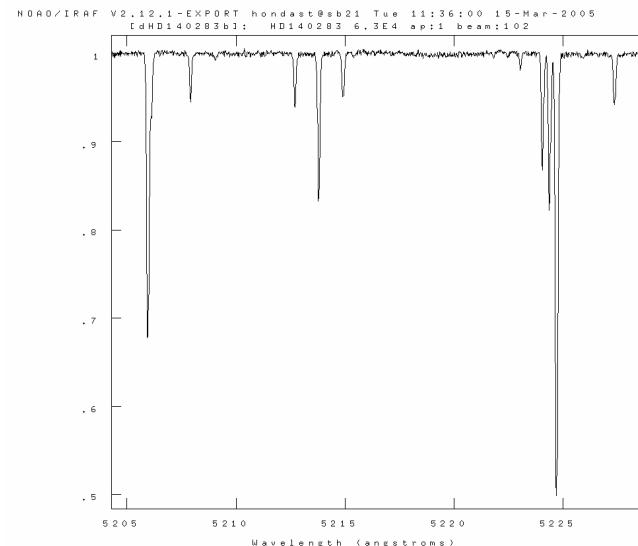


GAOESデータ処理について



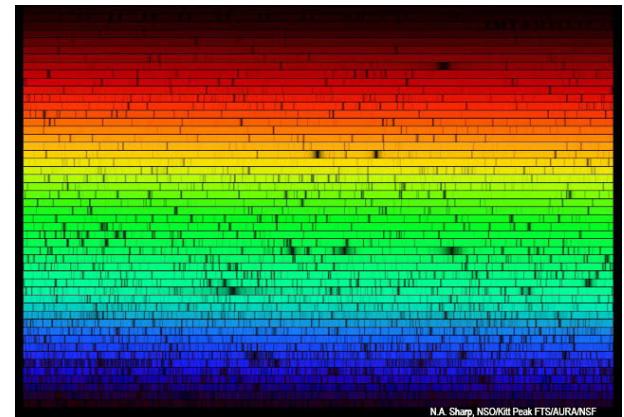
Ver.1.2



2009.2.1
天文学校

エシェル分光器

- 岡山観測所188cm望遠鏡
 - HIDES
- すばる望遠鏡
 - HDS
- 基本的に解析方法は同じ



GAOESデータの1次処理

2次元画像から1次元のスペクトルを抽出して、波長較正まで

- CCDの処理
 - Bias引き、flat割り
- 分光(エシェル)データの処理
 - スペクトル抽出、波長較正、
- GAOES固有の処理
 - オーバースキャンの処理、傾いたスリットの対応

解析で使うデータ

- Object
 - 星など天体のスペクトル画像。
- Bias
 - 0秒露出して得られる画像。
- Flat
 - 各ピクセルの個性を補正するため、2次元的に一様な明るさ分布をしたものを撮ったデータ。
- Comparison (HCT)
 - 波長較正用に使うTh-Arのライン
- (Dark)
 - GAOESの場合ほとんど不要

FITSファイル

- FITS(Flexible Image Transport System)
 - 天文データ汎用のフォーマット
 - ヘッダ部とデータ部(バイナリ)からなる

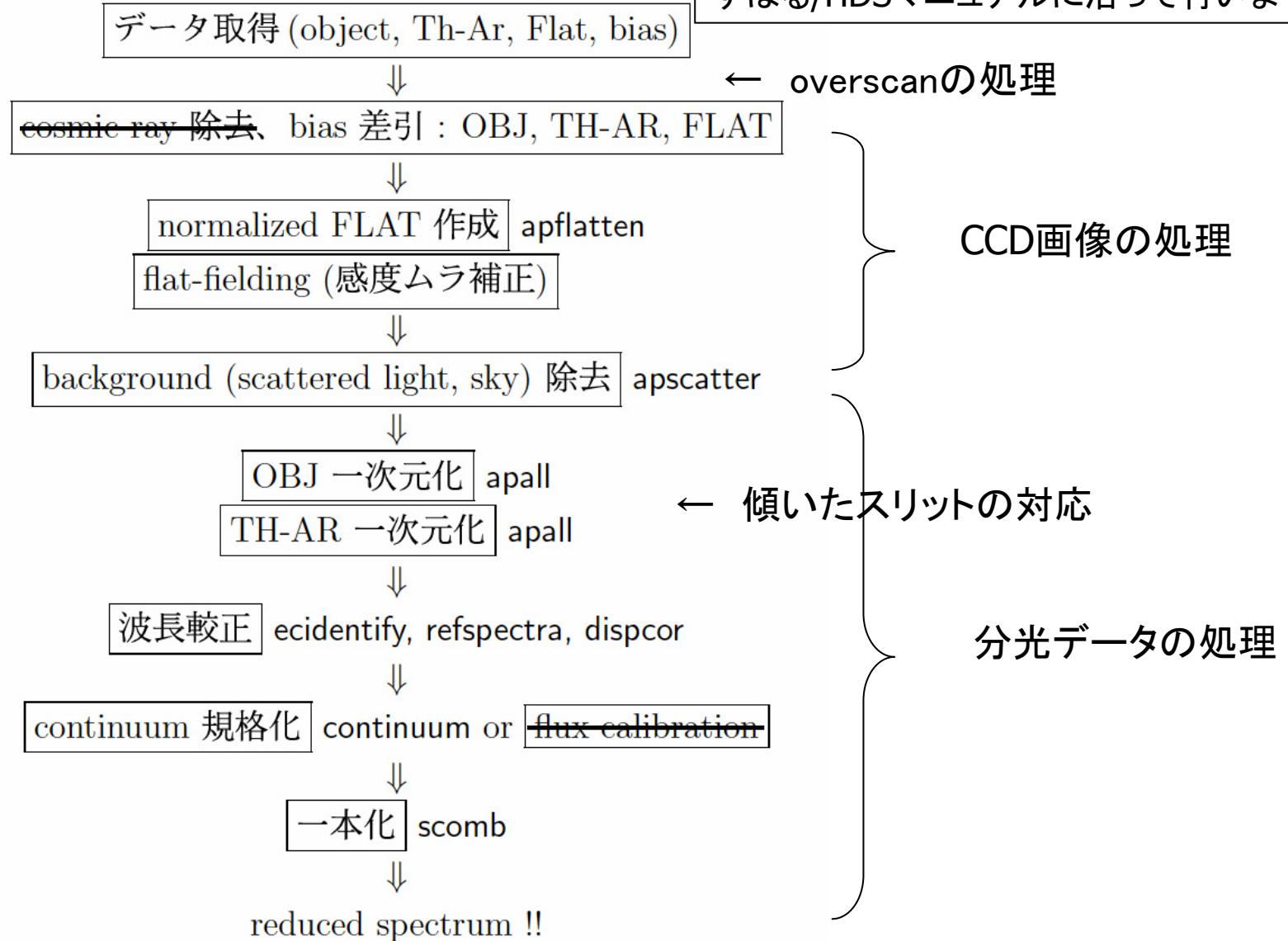
解析にはIRAFのechelle パッケージを使う

- IRAFはNOAOで開発された画像解析用のソフト、可視のデータ処理では良く使われている。
- さまざまなタスクがパッケージにまとめられている
 - *noao* → *imred* → *echelle*
- *mkiraf* : 初期設定
- *cl* : 起動
- *epar task名* : パラメータのエディット":go"で実行
- ! : UNIXのコマンドを使うとき(rmなど)
- *display* : 画像表示

splot のコマンド

- w + k, j, t, b 表示領域の変更
- :q 抜けるとき

人によっても手法が違ったりしますが今回は
すばる/HDSマニュアルに沿って行います



Irafの起動

```
[honda@neri ~/gakkou08]$ mkiraf
```

使うターミナルを聞かれるので適当なものを
選ぶ

-- creating a new uparm directory

Terminal types:

xgterm,xterm,gterm,vt640,vt100,etc.

Enter terminal type: xgterm

A new LOGIN.CL file has been created in
the current directory.

You may wish to review and edit this file to
change the defaults.

```
[honda@neri ~/gakkou08]$
```

login.clの変更

viはファイルの編集などを行うエディタ

書き込むときには「i」で、カーソルを移動するときは、「Esc」で切り替える。

編集したファイルを保存して終了するときは「:wq」、保存しないで終了するときは「!q」

```
[honda@neri ~] $ vi login.cl
# LOGIN.CL -- User login file for the IRAF command language.

# Identify login.cl version (checked in images.cl).
if (defpar ("logver"))
    logver = "IRAF V2.12.2 January 2004"

set    home      = "/asama/user/honda/gakkou08/"
set    imdir     = "/iraf/imdirs/honda/"
set    uparm     = "home$uparm/"
set    userid    = "honda"
# Set the terminal type.
if (envget("TERM") == "xterm") {
    if (!access (".".hushiraf"))
        print "setting terminal type to xgterm..."
    stty xgterm
} else {
```

```

# Set the terminal type.
if (envget("TERM") == "xterm") {
    if (!access (".".hushiraf"))
        print "setting terminal type to xgterm..."
    stty xgterm
} else {
    if (!access (".".hushiraf"))
        print "setting terminal type to xgterm..."
    stty xgterm
}

# Uncomment and edit to change the defaults.
#set editor      = vi
#set printer     = lp
#set pspage      = "letter"
#set stdimage    = imt800 <- imt4096
#set stdimcur    = stdimage
#set stdplot     = lw
#set clobber     = no
#set filewait    = yes
#set cmbuflen    = 512000
#set min_lenuserarea = 64000
#set imtype      = "imh" <- "fits"
#set imextn     = "oif:imh fxf:fits,fit plf:pl qpf:qp stf:hhh,??h"

```

変更したら

:wq

[honda@neri ~/gakkou08]\$

```
[honda@neri ~/]$ xgterm &
```

指定したターミナルウインドウを使う。
xterm上で

Irafの起動

```
[honda@neri ~/]$ cl
```

setting terminal type to xterm...

```
NOAO PC-IRAF Revision 2.12.2-EXPORT Sun Jan 25 16:09:03 MST 2004  
This is the EXPORT version of PC-IRAF V2.12 supporting most PC systems.
```

Welcome to IRAF. To list the available commands, type ? or ???. To get detailed information about a command, type `help command'. To run a command or load a package, type its name. Type `bye' to exit a package, or `logout' to get out of the CL. Type `news' to find out what is new in the version of the system you are using. The following commands or packages are currently defined:

```
ace.      dbms.      graspo.    mxtools.    softools.  vol.  
adccdrom. dimsum.    guiapps.   nlocal.    spectime.  xccdred.  
arcon.    etools.   ice.      nmisc.    spptools.  xdimsum.  
ared.     finder.   ifocas.   noao.     sqiid.    xdwred.  
aspec.    fitsutil. images.   nso.      steward.   xray.  
ccdacq.   ftools.   language.  obsolete.  stsdas.  
color.    gemini.   lists.    plot.     system.  
ctio.     gmisc.   mscred.   proto.    tables.  
dataio.   grasp.    mtools.   rgo.     utilities.
```

cl>

echelleパッケージを呼び出す

cl> **noao**

artdata. digiphot. obsolete. onedspec.
astcat. focas. nproto. rv.
astrometry. imred. observatory surfphot.
astutil. mtlocal. obsutil. twodspec.

no> **imred**

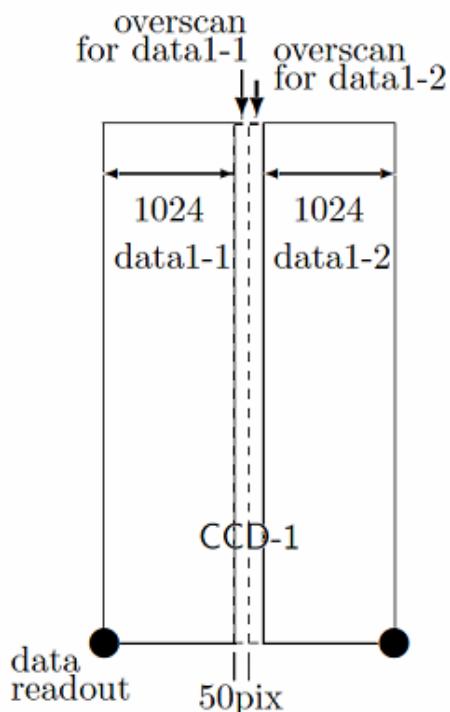
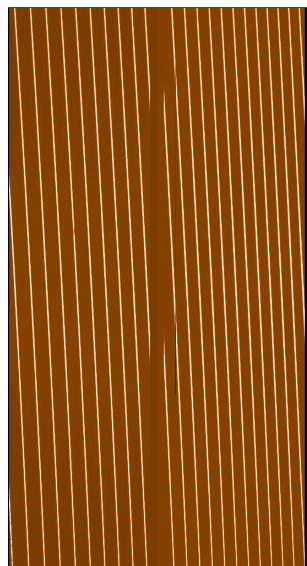
argus. crutil. echelle. iids. kpnocoude. specred.
bias. ctioslit. generic. irred. kpnoslit. vtel.
ccdred. dtoi. hydra. irs. quadred.

im> **echelle**

apall aprecenter demos overscan_gao setjd
apdefault@ apresize derdden refspectra sflip
apedit apscatter dispcor sapertures slist
apfind apsum doecslit sarith specplot
apfit aprtrace dofoe scombine specshift
apflatten bplot dopcor scopy splot
apmask calibrate eidentify sensfunc standard
apnormalize continuum ecreidentify setairmass

ec>

オーバースキャン領域の処理

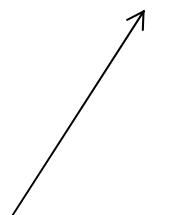


- 読み出しのノイズ処理
- スクリプトを使って処理できる(overscan_gao.cl)
 - オーバースキャン領域の平均を取る
 - 平均値を引く
 - ゲインをかける
 - CCDを1つにつなげる
 - *task overscan_gao = /path/overscan_gao.cl*
- 少し時間がかかる。

オーバースキャンスクリプトの設定

```
ec> pwd  
/home/honda/gakkou08  
ec> ls overscan_gao.cl  
overscan_gao.cl  
ec> task overscan_gao = /home/honda/gakkou08/overscan_gao.cl
```

```
ec>
```



この部分はファイルを置いてあるディレクトリを指定する。

スクリプトのファイルをWindowsのブラウザでダウンロードして保存するときには注意

リストファイルの作成

```
[honda@neri ~/gakkou08]$ ls  
20090126.log      20090126_001.fits  
20090126_002.fits 20090126_003.fits  
20090126_004.fits 20090126_005.fits  
  
[honda@neri ~/gakkou08]$ ls *.fits > in  
[honda@neri ~/gakkou08]$ more in  
20090126_001.fits  
20090126_002.fits  
20090126_003.fits  
20090126_004.fits  
20090126_005.fits
```

- いくつかのファイルをまとめて処理するときには、リストファイルを使うと便利です。

同じ処理内容を、多数のファイルに対して実行するとき、処理したいデータ(ファイル名)をリストにしておき、リストのファイル名に@マークをつけてタスクを実行すると、一括処理を行うことができます。

リストファイルの作成

入力ファイルの作成

```
ec> ls *.fits > in  
ec> !more in  
20090126_001.fits  
20090126_002.fits  
20090126_003.fits  
20090126_004.fits  
20090126_005.fits  
....
```

viでinファイルを編集し、必要な
ファイルだけを残す

```
ec> vi in
```

出力ファイルを作つておく

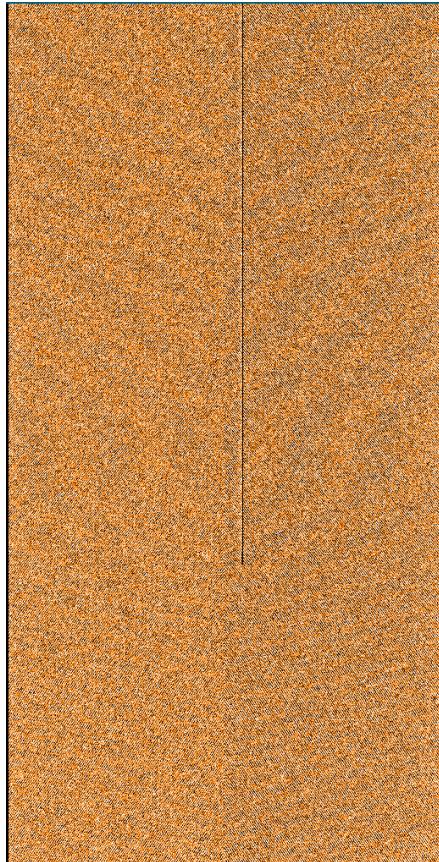
```
ec> cp in out  
outファイルを編集する  
  
ec> vi out  
os001.fits  
os002.fits  
os003.fits  
os004.fits  
os005.fits  
....
```

オーバースキャンの処理

ec> **overscan_gao @in @out**
でオーバースキャンの処理が行われる。

```
Overscan mean / stddev of 20090126_001.fits = 474.5103 / 1.709048  
468.117 / 1.61  
5987  
parameter os001.fits,GAIN already exists  
Overscan mean / stddev of 20090126_002.fits = 474.6925 / 1.71385  
468.1141 / 1.60  
9061  
....
```

Biasの補正



- 0秒の露出でも0とならない分の補正
- 複数枚をmedianで合成してbiasフレームの作成
 - *imcombine @input bias.fits*
- すべてのフレームからbiasを引く
 - *imarith @input - bias @output*

biasのリストファイル

```
ec> ls os*.fits > input  
ec> vi bias  
os001.fits  
os002.fits  
...
```

画像の合成には「imcombine」を使う
タスクのパラメータを変えるときは「epar」を使う。

```
ec> epar imcombine  
I R A F  
Image Reduction and Analysis Facility
```

PACKAGE = immatch
TASK = imcombine

```
input      =      @input List of images to combine  
output     =      bias List of output images  
(headers=   ) List of header files (optional)  
(bp.masks=  ) List of bad pixel masks (optional)  
(rej.mask=  ) List of rejection masks (optional)  
(nrej.mas=  ) List of number rejected masks (optional)  
(exp.mask=  ) List of exposure masks (optional)  
(sigmas =  ) List of sigma images (optional)  
(logfile=  STDOUT) Log file  
  
(combine=  median) Type of combine operation  
(reject =  none) Type of rejection  
(project=  no) Project highest dimension of input images?  
(outtype=  real) Output image pixel datatype  
(outlimi=  ) Output limits (x1 x2 y1 y2 ...)  
(offsets=  none) Input image offsets  
(mode   =  ql)
```

:go

実行するときには「:go」実行しないで抜けるときには「:q」

Biasの作成

Jan 31 19:42: IMCOMBINE

combine = median, scale = none, zero = none, weight = none
blank = 0.

Images
os001.fits
os002.fits
os003.fits
os004.fits
os005.fits
os006.fits
os007.fits
os008.fits
os009.fits
os010.fits

Output image = bias, ncombine = 10
ec>



使う画像からbiasイメージを引く。
画像の演算には「imarith」を使う。

画像の演算

ec> **epar imarith**

I R A F

Image Reduction and Analysis Facility

PACKAGE = imutil

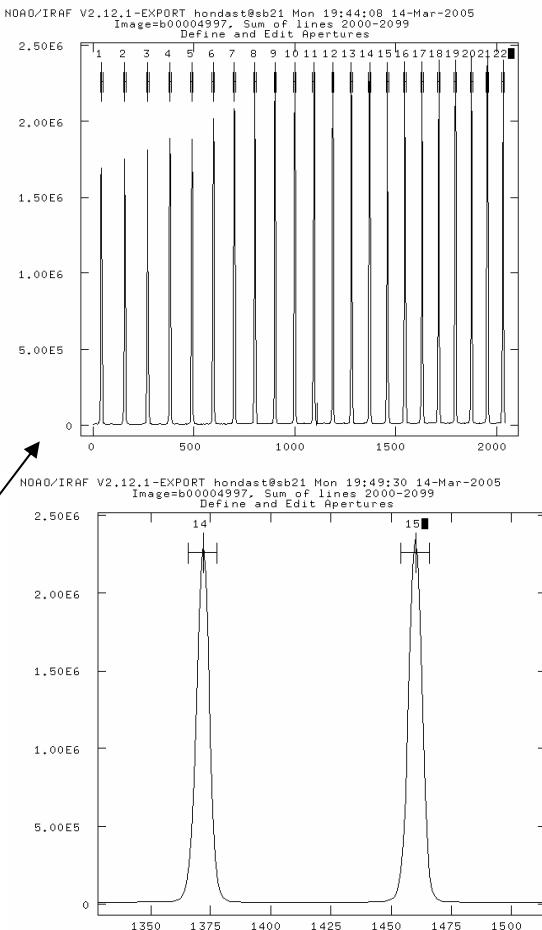
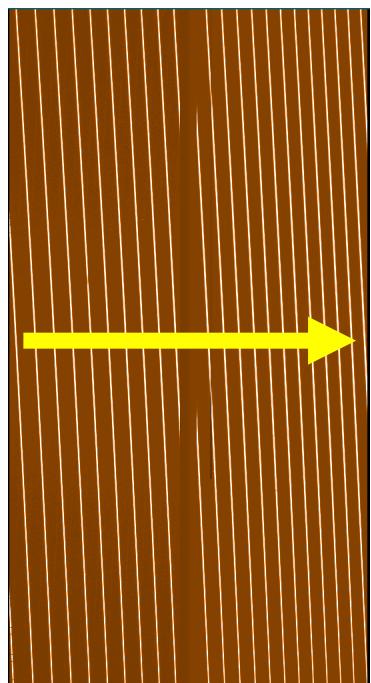
TASK = imarith

operand1=	@in	Operand image or numerical constant
op =	-	Operator
operand2=	bias	Operand image or numerical constant
result =	@out	Resultant image
(title =)	Title for resultant image
(divzero=	0.)	Replacement value for division by zero
(hparams=)	List of header parameters
(pixtype=)	Pixel type for resultant image
(calctyp=)	Calculation data type
(verbose=	no)	Print operations?
(noact =	no)	Print operations without performing them?
(mode =	ql)	

:q

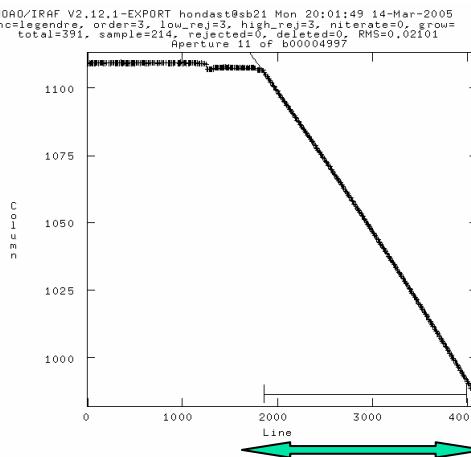
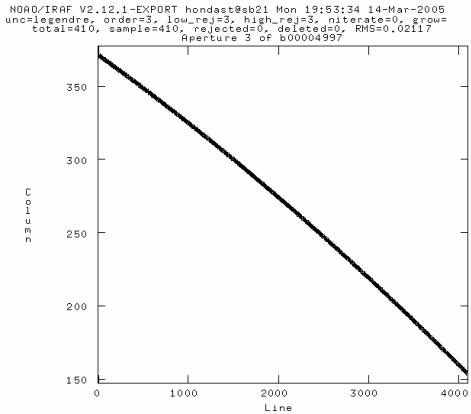
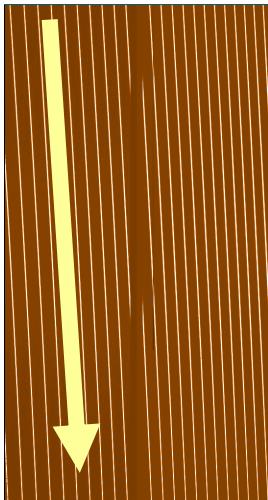
ec> **imarith @in - bias @out**

天体のスペクトルの抽出 (チェックとトレース用)

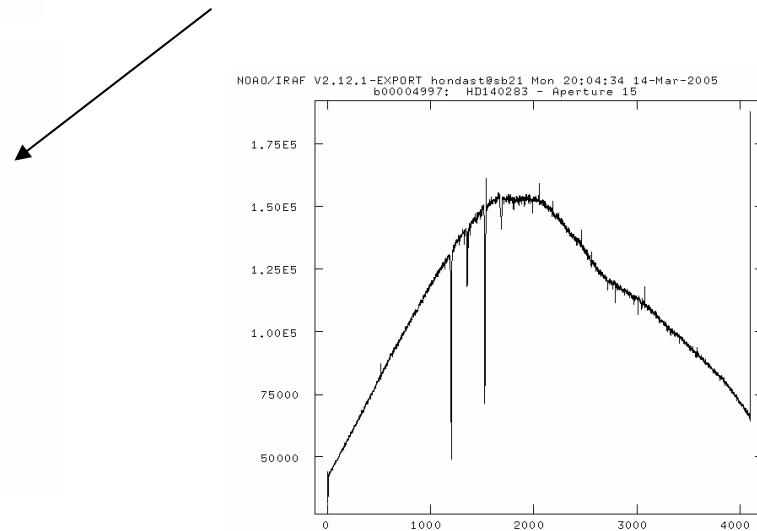


- *apall*を使う
- スペクトルの写っている位置を探す
 - *apfind*
 - 本数を指定する
 - 数えて入力
- 中心を決める
 - *aprecenter*
- 切り出す幅を決める
 - *apresize*
 - *apedit*

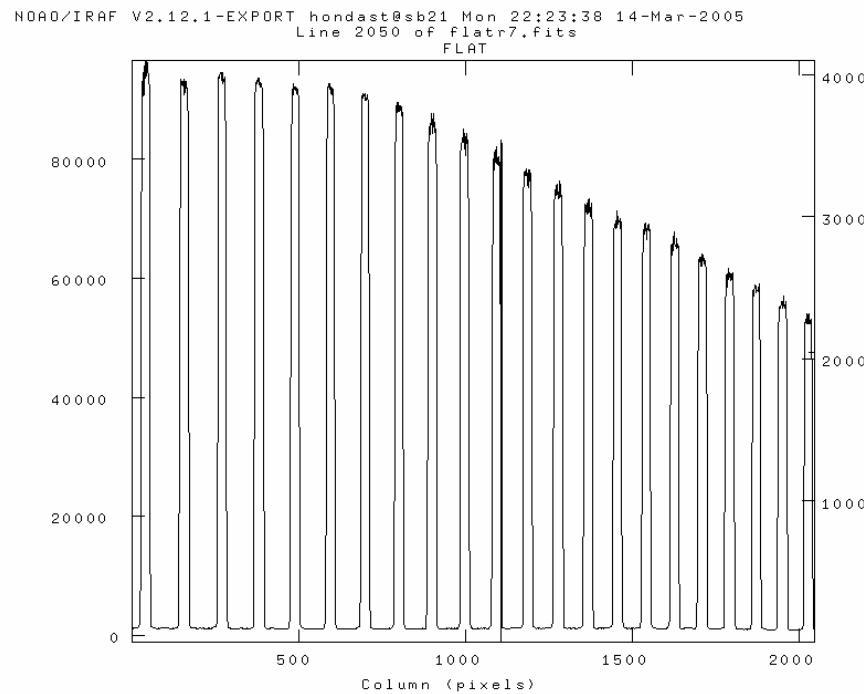
天体のスペクトルの抽出 (チェックとトレース用)



- トレースを行う
 - *aptrace*
- フィットが良くない場合は範囲を指定する



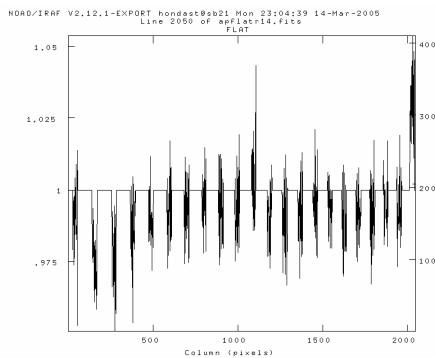
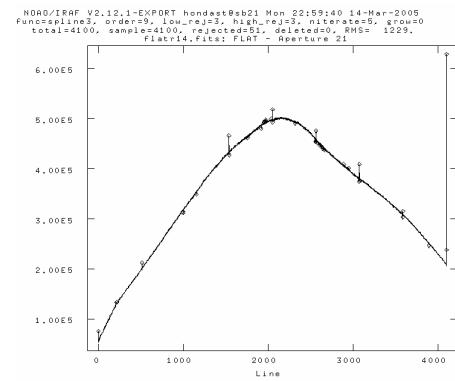
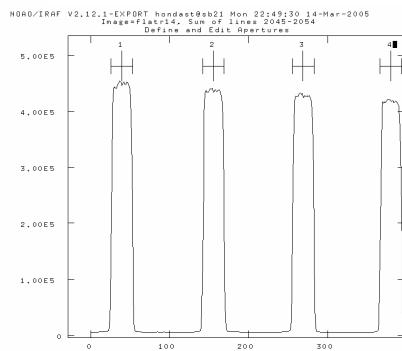
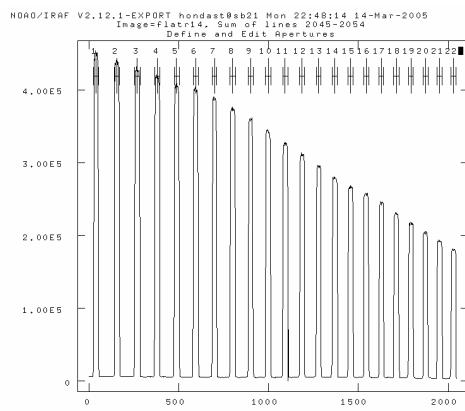
フラットフレームの作成



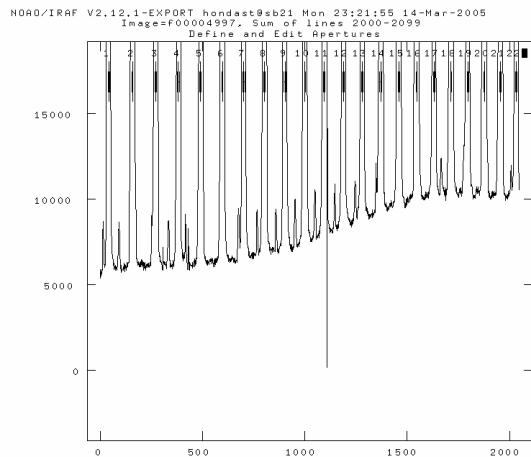
- CCDの感度はピクセルごとに違うので、それを補正する。
- 複数枚をmedianで合成する。(bias作成と同じ)
 - *imcombine*

フラットフィールディング

- 全体の平均が1になるように規格化する。
- *apflatten* (または*apnormalize*)
 - (波長方向に閾数をフィットするため、flatのスペクトルを抽出する(一部*apall*と同じ作業)。
 - トレースに使ったデータを参照する
 - *apresize* のパラメータを変更
 - 得られたflatのスペクトルを閾数でフィットする
 - フィットしないときは次数を変えたり、範囲を変えたりする。
 - flatで天体画像を割る
 - *imarith*

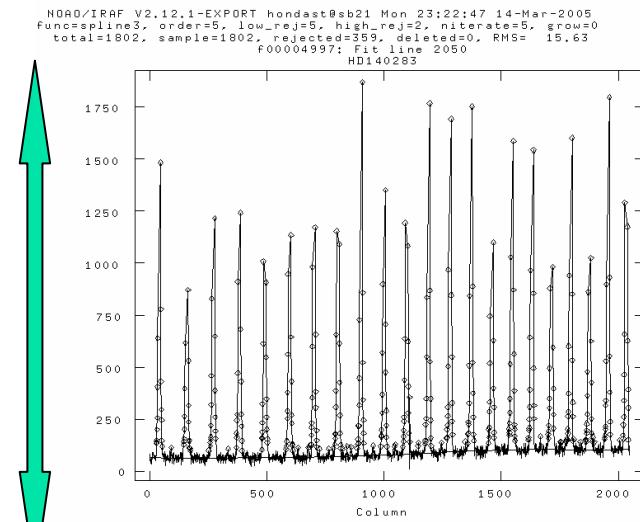


背景光の除去



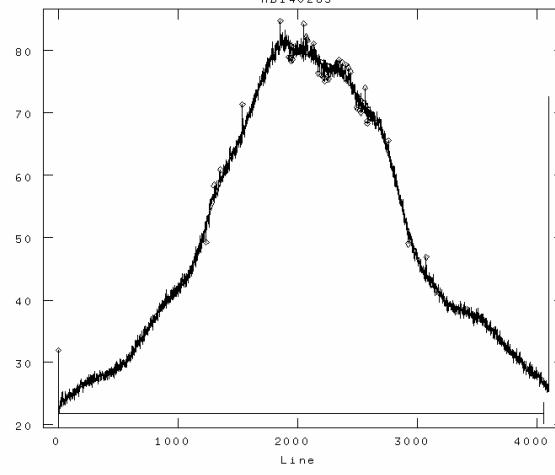
スペクトルの間が0になっていない

- 散乱光などの背景光を関数でフィットして差し引く。
- 光の当たってる部分にマスクをかける。
- *apsscatter*
 - 数分かかる



スリット長方向のフィットの様子

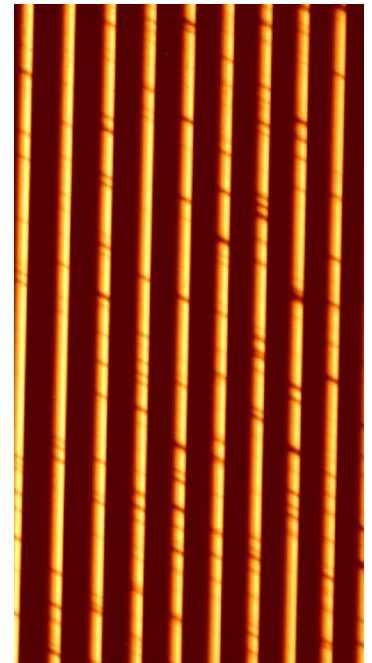
NORO/IRAF V2.12.1-EXPORT hondast@sb21 Mon 23:23:59 14-Mar-2005
unc=spline3, order=20, low_rej=3, high_rej=3, niterate=10, grow=0
total=4100, sample=4061, rejected=37, deleted=0, RMS= 0.7255
s00004997: Fit column 1024
HD140283



波長分散方向のフィット

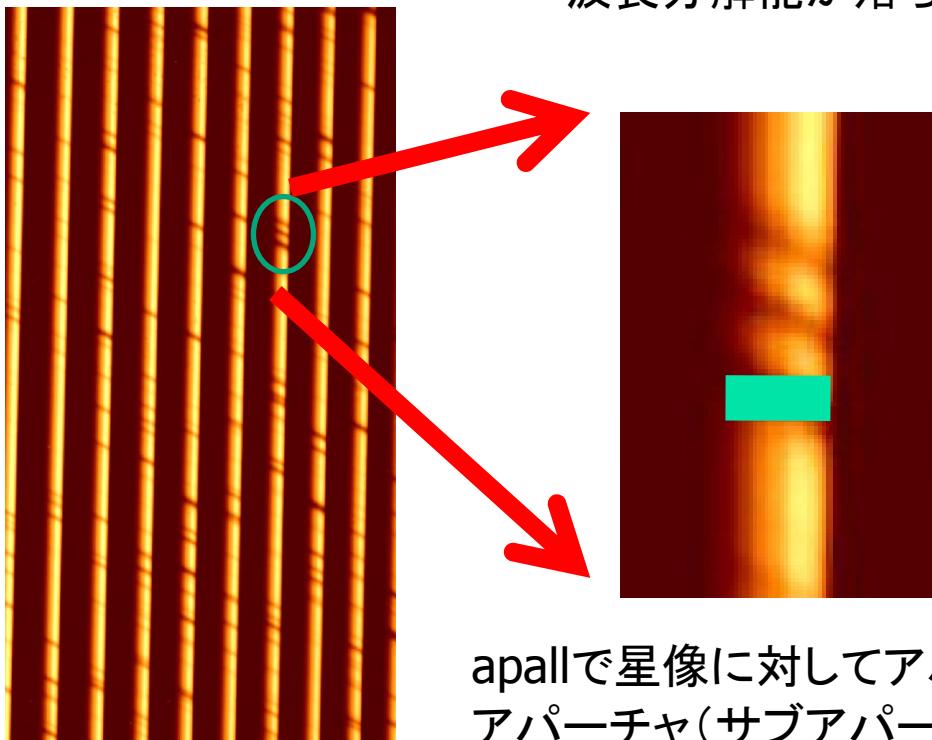
スペクトル抽出

- 最初に行った作業と同じ *apall*
- トレースに使ったデータを参照する
- サブアパーチャに分けて一本のアパーチャに対して複数のスペクトルを得る



傾いたスリットの対応

そのまま足し合わせると
波長分解能が落ちる。



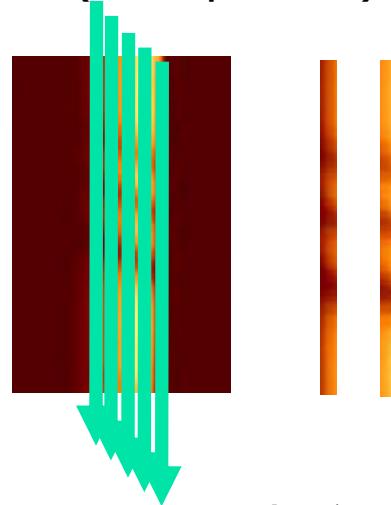
apallで星像に対してアーチャサイズを決める際に、複数のアーチャ(サブアーチャ)をとるように指定します。

(nsubaps=

5) Number of subapertures per aperture

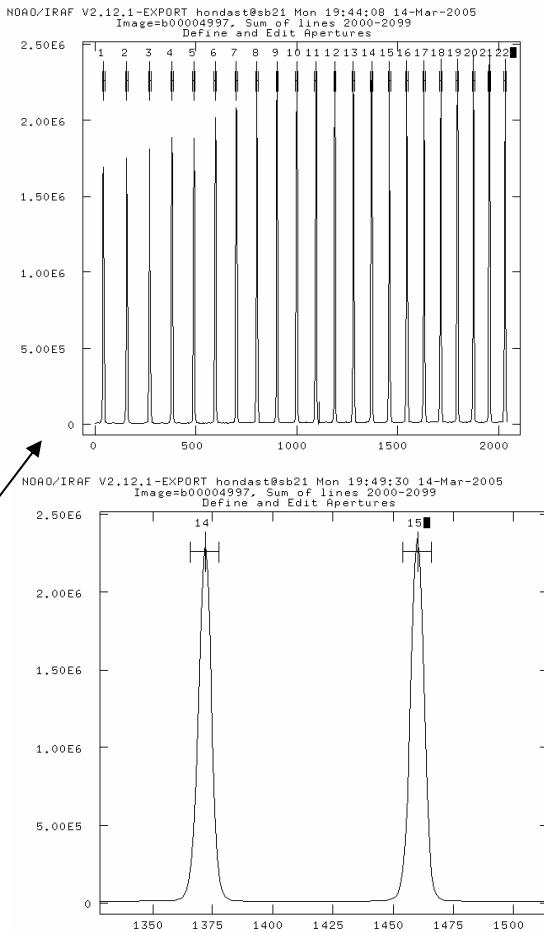
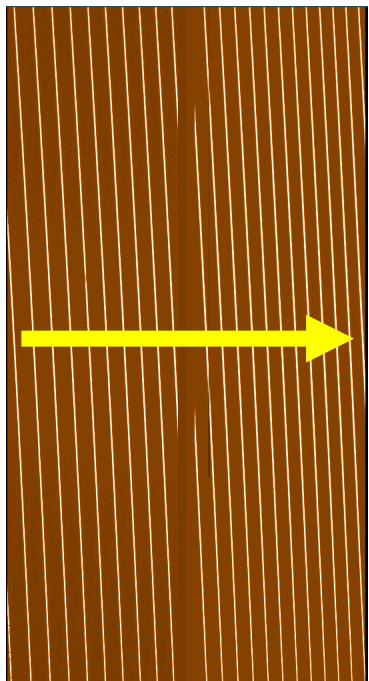
この場合、5つのサブアーチャに分割していて、得られるスペクトルは5本になり、サブアーチャごとに番号(この場合1-5)がつけられ、個別にファイルができます。

細く切り分けて数本の
スペクトルを得る。
(sub aperture)



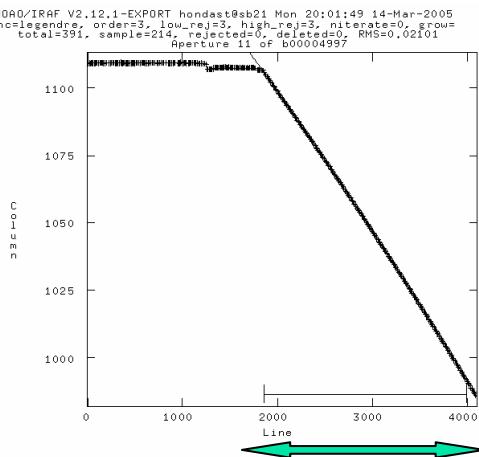
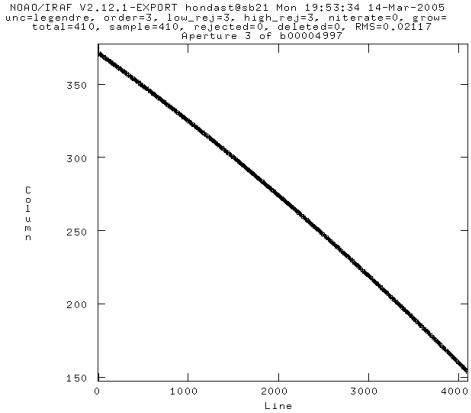
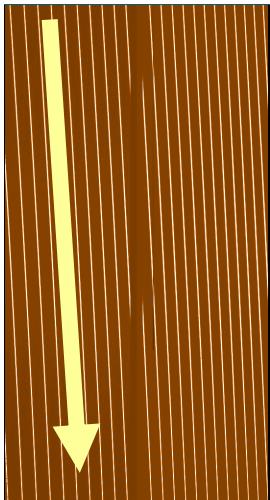
何本に分けるかは、広がり(シーリング、ガイド)によって変える必要がある。

天体のスペクトルの抽出

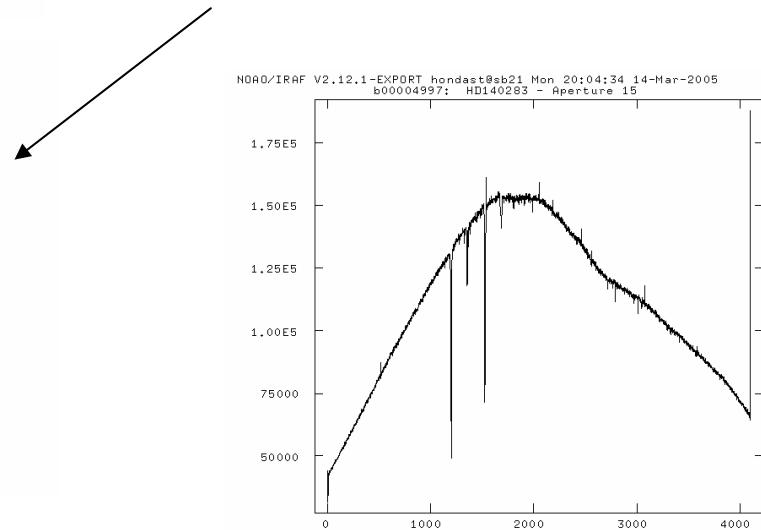


- *apall*を使う
- スペクトルの写っている位置を探す
 - *apfind*
 - 本数を指定する
- 中心を決める
 - *aprecenter*
- 切り出す幅を決める
 - *apresize*
 - *apedit*

天体のスペクトルの抽出



- トレースを行う
 - *aptrace*
- フィットが良くない場合は範囲を指定する

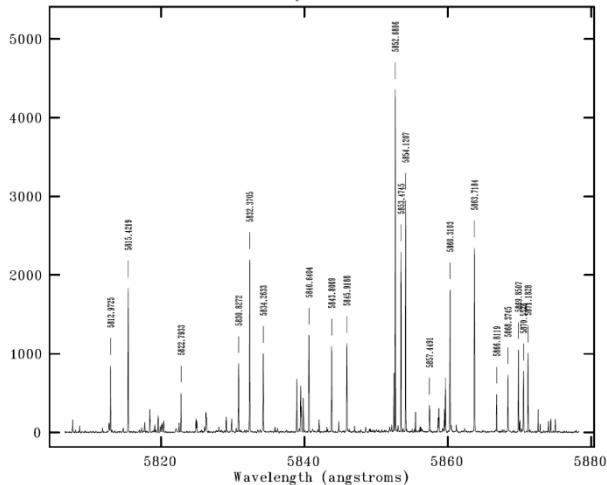


横軸はCCDのピクセル数

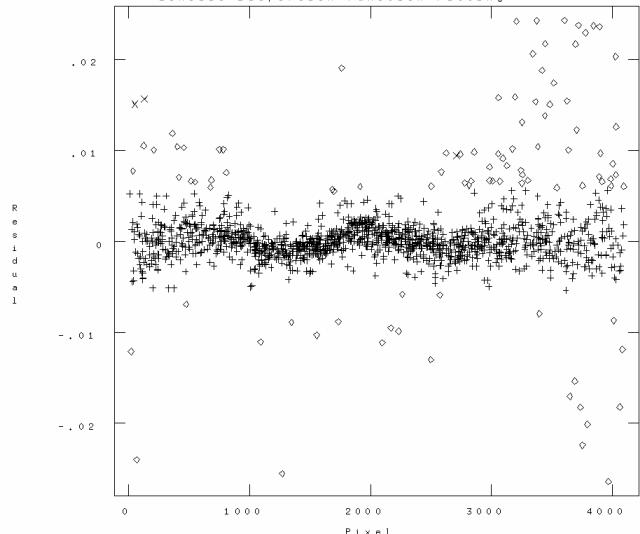
波長較正

- 天体データ取得と同じ設定で撮った比較光源を使って、CCDのピクセル数と波長との関係式を導く。
- Th輝線の同定
 - comparisonデータを1次元にして使う
 - *apall* (参照データを使って抽出のみを行う)
 - sub apertureは対応する天体と同じにする
- 天体データの波長較正

NOAO/IRAF V2.11.3EXPORT honda@hds Wed 23:08:43 13-Sep-2000
Aperture 7, Image line 7, Order 102
ecidentity 077: UNKNOWN



```
HOAO/IRAF V2.12.1-EXPORT hondast@sb21 Tue 01:07:14 15-Mar-2005  
tation=chebyshev, xorder=5,  
          yorder=5, slope=1, offset=101, rms=0.  
          Echelle Dispersion Function Fitting
```



Th-Ar輝線の同定

- Th-Arのアトラスを使って一つ一つの輝線に波長を与えていく。
 - *ecidentify*
 - 面倒な作業で失敗しやすいので疲れてるときはやらないほうが良い。
 - すべてのラインを使う必要はないが、1オーダー3本以上はやったほうがいい

関数フィットを行った結果の残差

ecidentify

```
xterm      IRAF
Image Reduction and Analysis Facility
PACKAGE = echelle
TASK = ecidentify

images = [rec049_5 Images containing features to be identified
          database] Database in which to record feature data
(coordlist= linelists$thar.dat) User coordinate list
(units = ) Coordinate units
(match = 1.) Coordinate list matching limit in user units
(maxfeat= 3000) Maximum number of features for automatic identif
(zwidth = 10.) Zoom graph width in user units
(ftype = emission) Feature type
(fwidth = 4.) Feature width in pixels
(cradius= 5.) Centering radius in pixels
(thresho= 10.) Feature threshold for centering
(minsep = 2.) Minimum pixel separation
(function= legendre) Coordinate function
(xorder = 2) Order of coordinate function along dispersion
(yorder = 2) Order of coordinate function across dispersion
(niterat= 5) Rejection iterations
(lowreje= 3.) Lower rejection sigma
(highrej= 3.) Upper rejection sigma
(autowri= no) Automatically write to database?
(stdgraph) Graphics output device
(cursor = ) Graphics cursor input
(mode = ql)

ESC-q for HELP
```

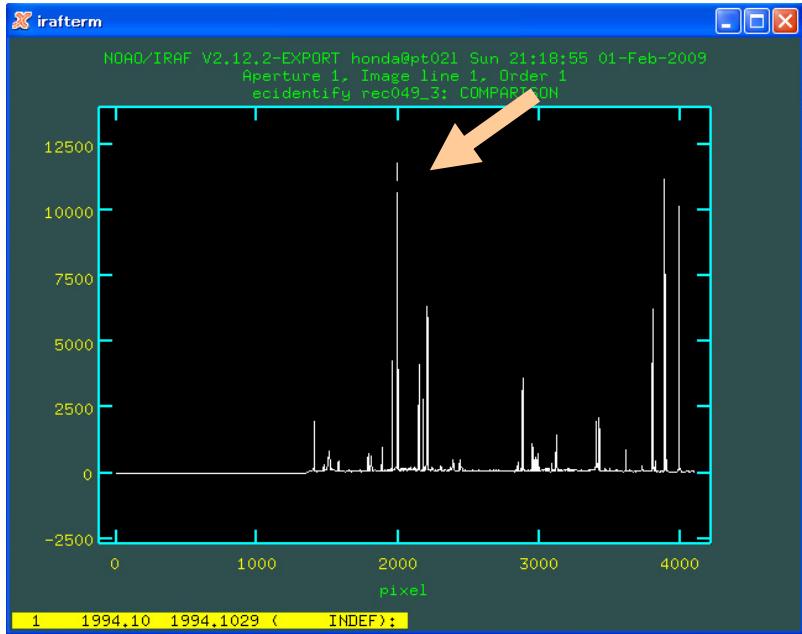
ec> epar ecidenti
でパラメータの

(xorder = 2) Order of coordinate...
(yorder = 2) Order of coordinate...

の部分を4か5程度にしておく。

波長の同定に使うComparisonファイルは
apallでnsubapを5などにして、1つのファイル
に対して5本のスペクトルが得られている
場合は、その中の、3番目など、1つ適当に
選ぶ。

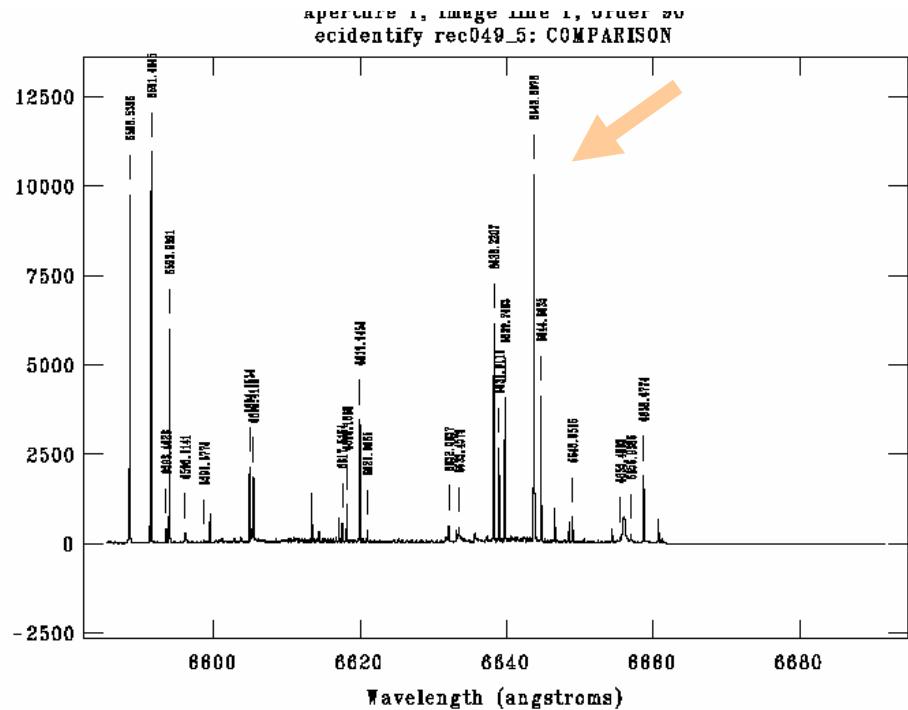
ecidentify



↑のINDEF) : の後に波長を打ち込む。
これを各オーダーに対して3本程度以上
決めてやる。

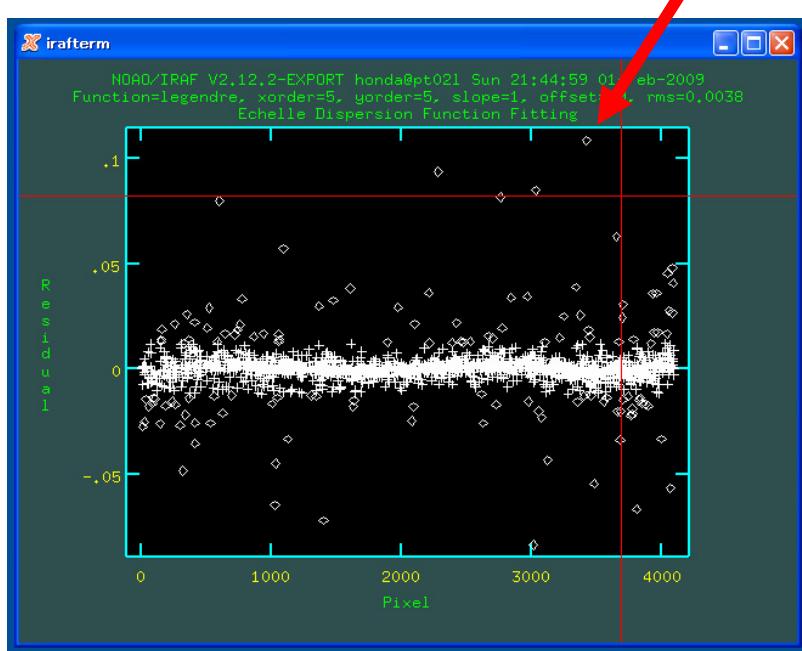
1つのオーダーで3本程度波長を入力したら
「k」で次のオーダーに移る。戻るときは「j」。

ecidentiを実行すると、輝線のスペクトルが表示される。Th-Arアトラスを見ながら輝線の上で「m」を押すと左のような画面になる。

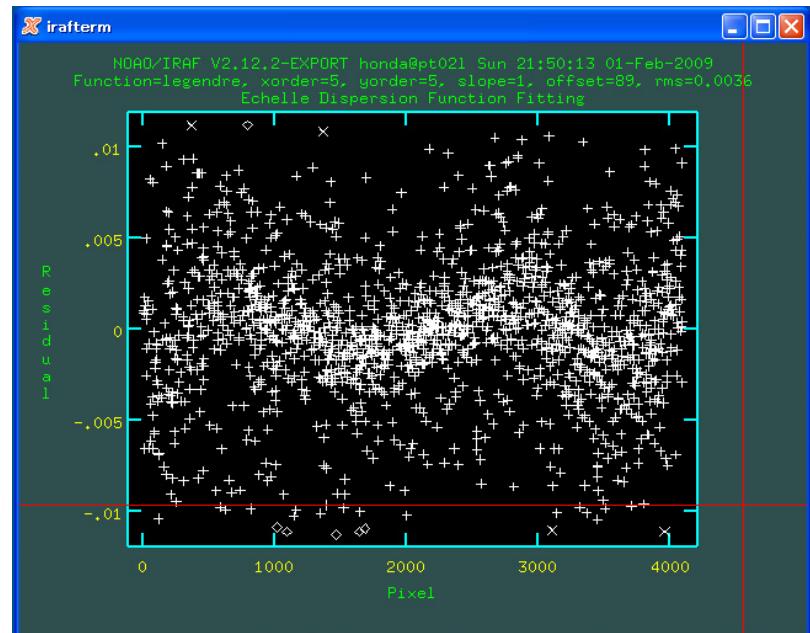


ecidenti

全オーダーに対して、波長を設定したら「f」を押してfitを行う。

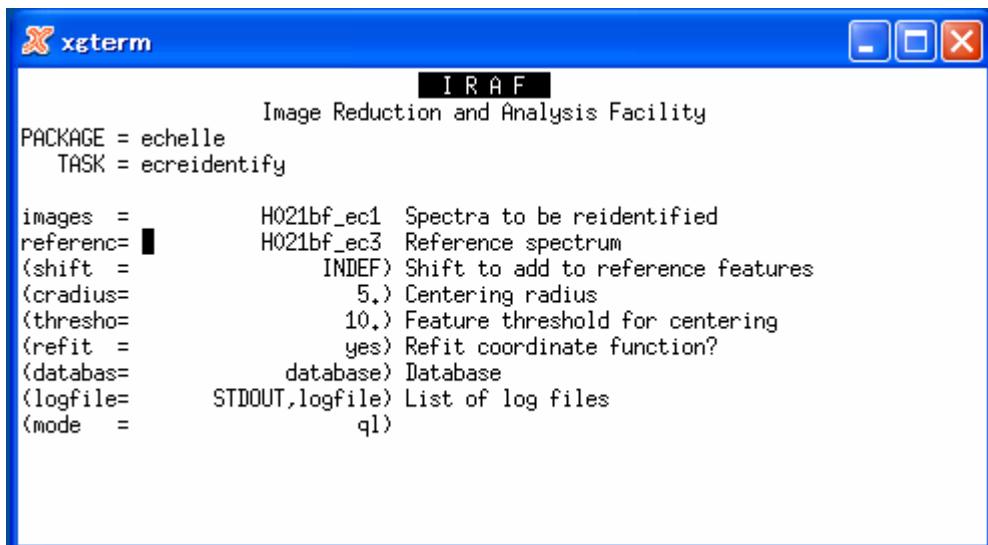


外れた点は、カーソルを合わせて「d」を押すと消してくれるので、大きく外れた点を消した後にもう一度「f」でfitすると下のようになる。



だいたい±0.01程度の範囲に収まっているればOK、「q」で終了する。

他のcomparisonも同様に波長の同定を行う。ecreidenti



The screenshot shows an xterm window titled "xterm" with the title bar "IRAF" and "Image Reduction and Analysis Facility". The window contains the following text:

```
ec> epar ecreidentify
PACKAGE = echelle
TASK = ecreidentify
images = H021bf_ec1 Spectra to be reidentified
reference= H021bf_ec3 Reference spectrum
(shift = INDEF) Shift to add to reference features
(cradius= 5.) Centering radius
(thresho= 10.) Feature threshold for centering
(refit = yes) Refit coordinate function?
(database) Database
(logfile= STDOUT,logfile) List of log files
(mode = ql)
```

ec> epar ecreidentify

apallでnsubapsを5などにした場合には comparisonのスペクトルが5本あるので それぞれに対して波長較正を行う必要がある。

5本すべてのファイルに、もう一度 ecidentiをやらなくても、ecreidentiを使えば、最初のファイルを元にして、波長の同定をしてくれる。

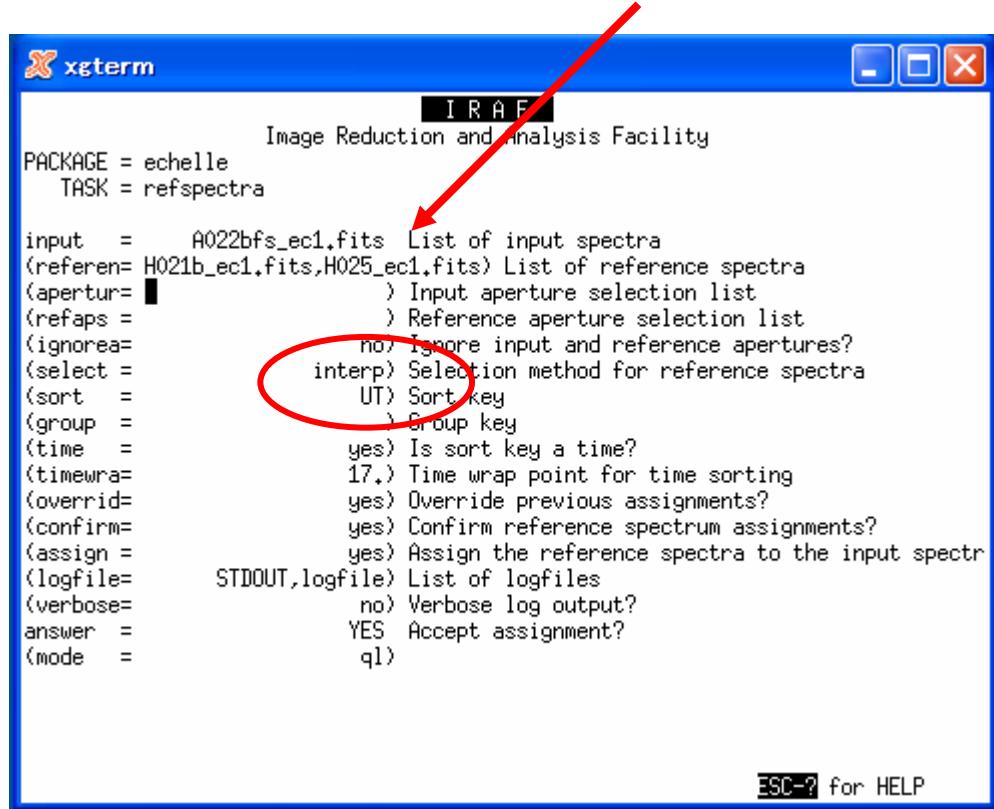
最初にecidentifyを行ったファイルが H021bf_ec3だった場合にはそれを referenceに指定する。

天体データの波長較正

- 参照するcomparisonを指定する
 - *refspectra*
 - sortとgroupを書き換える
- 天体の波長較正
 - *dispcor*
- 波長較正したスペクトルは足し合わせる
 - *scombine (group=apertures)*

refspectra

波長の同定を行ったcomparisonを天体に適用する。



```
I R A F
Image Reduction and Analysis Facility

PACKAGE = echelle
TASK = refspectra

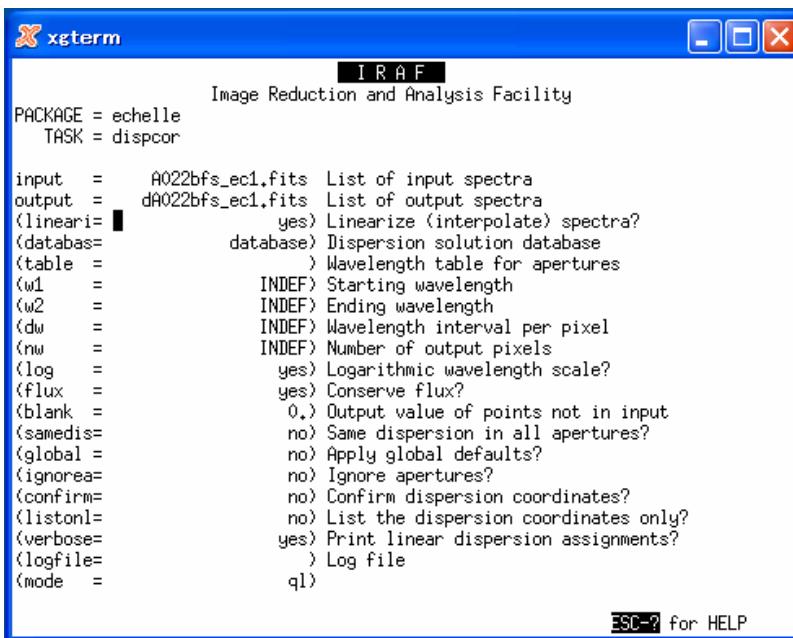
input   = A022 bfs_ec1.fits List of input spectra
(referen= H021b_ec1.fits,H025_ec1.fits) List of reference spectra
(aperture= ) Input aperture selection list
(refaps= ) Reference aperture selection list
(ignorea= no) Ignore input and reference apertures?
(select = interp) Selection method for reference spectra
(sort   = UT) Sort key
(group  = ) Group key
(time   = yes) Is sort key a time?
(timewra= 17.) Time wrap point for time sorting
(overrid= yes) Override previous assignments?
(confirm= yes) Confirm reference spectrum assignments?
(assign = yes) Assign the reference spectra to the input spectra
(logfile= STDOUT,logfile) List of logfiles
(verbose= no) Verbose log output?
(answer = YES) Accept assignment?
(mode   = ql)

ESC-? for HELP
```

天体を挟んでcomparisonを撮つてあるので、
(referen = HCT1ec1, HCT2ec2)
というように、サブアーバーチャの同じ番号のものをリファレンスにする。

sortは「UT」
groupは空欄にする

dispcor



The screenshot shows an xterm window titled "xterm" with the title bar "IRAF" and "Image Reduction and Analysis Facility". The window displays the IRAF dispcor task configuration. The configuration parameters listed are:

```
PACKAGE = echelle
TASK = dispcor

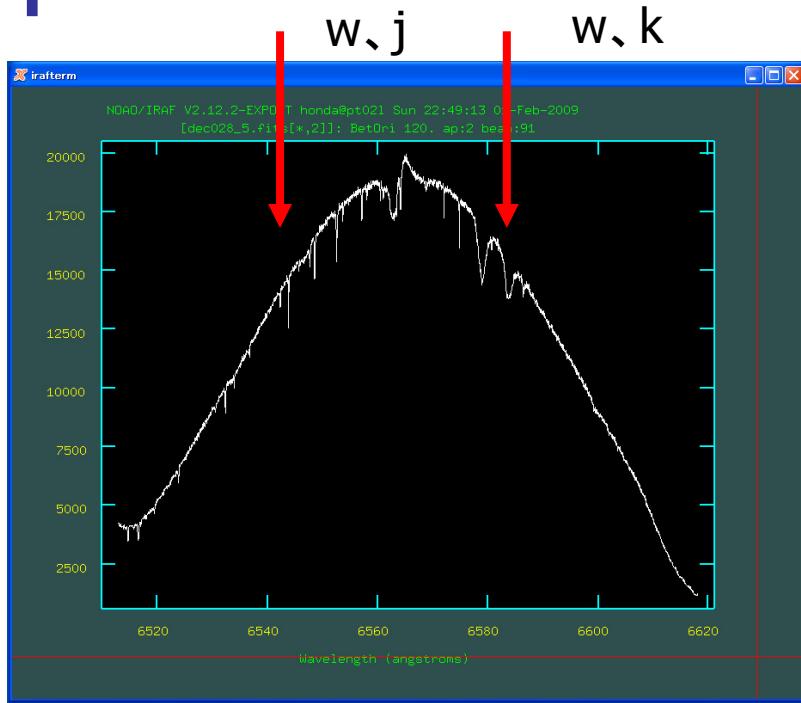
input   = A022 bfs_ec1.fits List of input spectra
output  = dA022 bfs_ec1.fits List of output spectra
(linearize= yes) Linearize (interpolate) spectra?
(database= database) Dispersion solution database
(table= ) Wavelength table for apertures
(w1= ) Starting wavelength
(w2= ) Ending wavelength
(dw= ) Wavelength interval per pixel
(nw= ) Number of output pixels
(log= yes) Logarithmic wavelength scale?
(flux= yes) Conserve flux?
(blank= 0.) Output value of points not in input
(samedisp= no) Same dispersion in all apertures?
(global= no) Apply global defaults?
(ignoreap= no) Ignore apertures?
(confirm= no) Confirm dispersion coordinates?
(listonl= no) List the dispersion coordinates only?
(verbose= yes) Print linear dispersion assignments?
(logfile= ) Log file
(mode= ql)
```

At the bottom of the window, the text "ESC-? for HELP" is visible.

dispcorを使って実際に天体スペクトルの波長較正を行う。

これで一応波長較正のされたスペクトルが得られるので、出来たファイルをsplotなどで確認する。

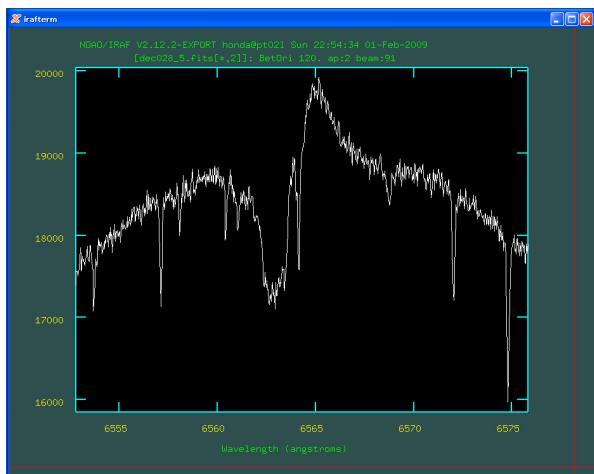
splot



splotでスペクトルを表示できる。
ec> splot dA021 bfs_ec3.fits

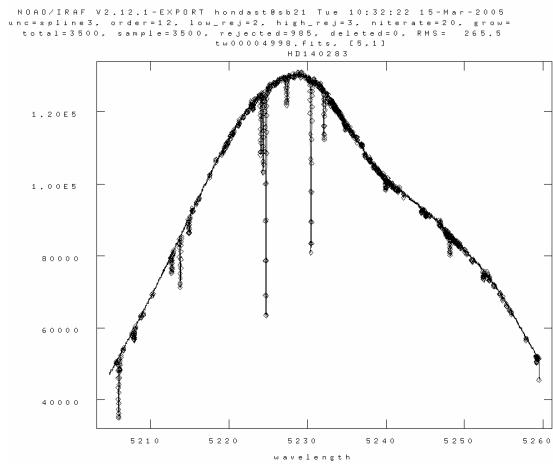
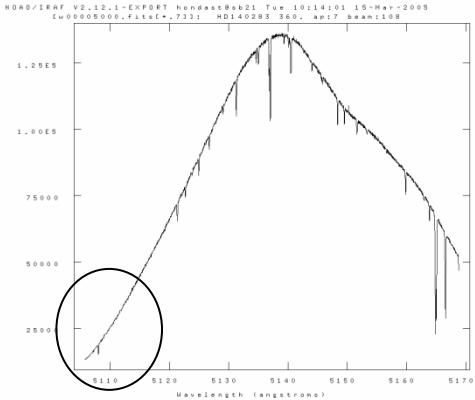
表示されるのは1オーダーずつなので
となりのオーダーに移るには
shift+) で進み、shift+(で戻る。

w押してからj、またはw押してからkで
表示範囲を変える。

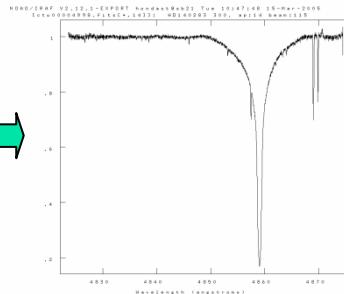
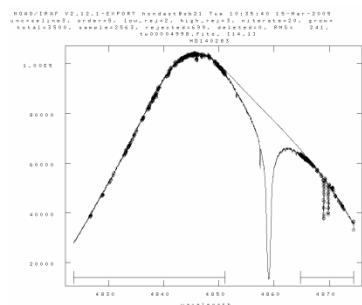


← リゲルのH α 付近。
(この形は何を意味するのか？)

鋭い吸収は地球大気。波長が少しずれて
いるのは、地球の運動成分と星の視線速度
成分によるもの。



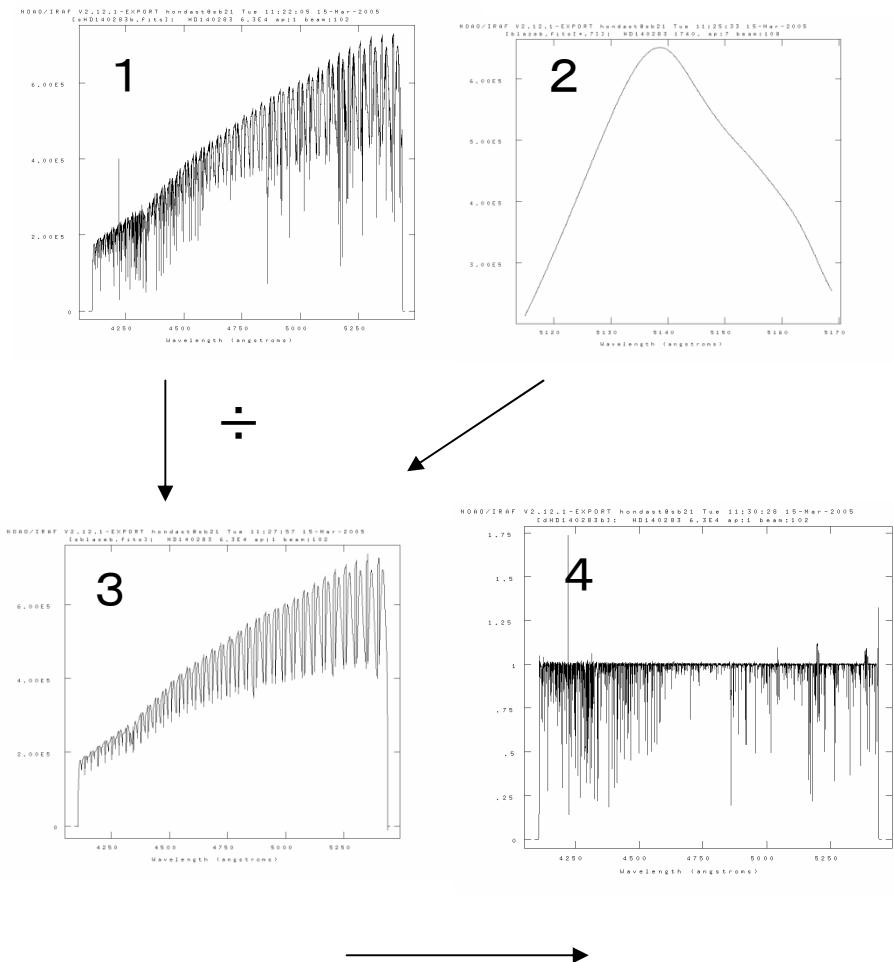
吸収線の部分は使わない



コンティニュームの決定

- 端の極端にカウントの低い部分を切り落としておく
 - *imcopy ???fits[601:4100,*] t???.fits*
- 吸収線の測定を行うために連続光成分で規格化する
 - *continuum*
 - フラックスを扱う場合は別

スペクトルの一本化



- 各オーダーをつなぐ
 - カウント値を考慮する
 - *scombine*

 1. 波長較正したスペクトルの全オーダーをつなぐ
 2. 規格化したスペクトルで波長較正したスペクトルを割ってコンティニュームのスペクトルを得る
 3. コンティニュームスペクトルの全オーダーをつなぐ
 4. 元のスペクトルをコンティニュームで割る

1次処理完了！
お疲れ様でした。

注意事項

- IRAFの起動はlogin.clのあるディレクトリで行う。
- スペクトルなどを表示する画面(irafterm)を、ウィンドウの機能を用いて消さない。
- 処理が進むと、ファイルの数が多くなっていくので、どの処理を行ったかわかるように、ファイルの名前の付け方には注意する。
- apallやecidentを行った結果、そのようにアパーチャを決めたか、どのように波長較正を行ったかという情報は、databaseというディレクトリにap???, ec???というような名前で書き込まれるので、作業をやり直すときには、これらのファイルを消さなければならぬ場合がある。